

国家科技支撑计划项目

项目名称:基于蛋白质组学的常见消化道恶性肿瘤预警、干预及个体化综合诊治研究

项目负责人:袁瑛,主任医师、博士生导师、浙江省“151人才工程”(第二层次)入选者、浙江大学医学院附属第二医院肿瘤内科副主任。担任中国抗癌协会大肠癌专委会委员、青年副主任委员、遗传性大肠癌学组组长,中国临床肿瘤协会(CSCO)青年专家委员会委员、中华医学会肿瘤学分会青年委员、国家卫计委消化道肿瘤合理用药专家委员会核心专家、国家卫计委2014版结直肠癌诊疗规范专家组成员,浙江省抗癌协会化疗专委会常委、抗癌药物专委会副主任委员、肿瘤标记物专委会副主任委员、大肠癌专委会常委兼秘书,浙江省免疫学会常务理事、肿瘤免疫与生物治疗专业委员会副主任委员等。发表学术论文80余篇,其中SCI论文35篇,多次承担国家、省部级课题。1997年获“The Southern California Society of Colon and Rectal Surgeons Award”(美

国南加州结直肠外科医生协会奖),2002年作为第一完成人获浙江省科技进步一等奖,2005年作为第四完成人获国家科技进步二等奖,2011年获浙江省第十一届青年科技奖。

项目简介:消化道肿瘤是严重威胁人类健康的主要肿瘤之一,其发病率和死亡率在所有恶性肿瘤中位居前列,约占我国癌症死亡的近40%。因此,早期诊断和治疗干预对于提高患者的生存时间至关重要。目前,在肿瘤前期与早期标志物研究方面已获得足够重视,但尚无突破性研究成果。该项目遵循肿瘤防治“前移”战略,联合中国医学科学院肿瘤医院、北京市肿瘤医院,在各自优势学科长期科研工作的基础上,应用蛋白质组学高通量的ITRAQ标记技术和确认/验证阶段的MRM/SRM技术,研究结直肠癌、胃癌、食管癌的预警、干预及个体化综合

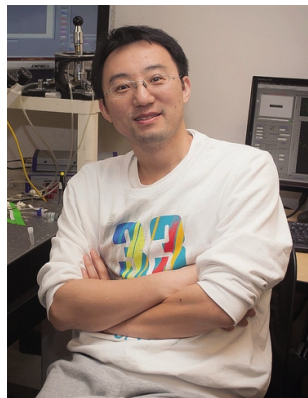
诊治肿瘤标志物,最终建立癌前期预警、预测复发转移、化疗敏感性的血清肿瘤标志物ELISA Array和液相色谱临床应用试剂盒。该转化医学研究成果将有利于发展新的消化

道肿瘤早诊和预后评价标志物群,对于提高消化道肿瘤患者的总体生存率、进行个体化诊治、降低其社会经济负担产生深远影响。



项目名称:单分子膜蛋白原位定量检测技术的应用及其在神经突触膜蛋白研究中的应用

国家重大科学研究计划(青年科学家专题)



项目负责人:陈伟,教授、博士生导师,国家“青年千人计划”入选者。以第一或共同作者在Cell, Immunological Review, Journal of Cell Biology, Journal of Biological Chemistry等多个国际期刊发表学术论文16篇。曾获美国心脏学会 Predoctoral Fellowship、美国海洋生物学实验室(Marine Biological Lab)夏季生理学课奖学金、美国生物医学工程学会最佳研究生论文奖、美国生物物理学会教育旅行奖、美国细胞生物学学会博士后旅行奖等。

项目简介:该项目立足于膜蛋白生物学研究的前沿,充分发挥理工科与生命科学学科交叉优势,并与华中科技大学的马聪教授研究团队和浙江大学的许均瑜副教授研究团队密切合作,重点研发新型的集单分子力谱、光谱及电生理于一体的多谱相膜蛋白原位定量检测系统。综合生物化学、细胞生物学、生物物理、计算生物学等多学科研究手段,围绕神经突触形成和递质分泌生物学过程,在单分子水平,系统研究突触膜蛋白的动态结构、功能变化及其耦联关系,阐释其分子调控机制,为进一步探索神经系统疾病的发病机理提供新的视角和理论依据。该项目所研发的新型多谱相单分子原位检测技术还适合研究其他重要蛋白质间的动态相互作用,动态构象变化及相关的分子调控机制。

项目名称:骨髓增生异常综合征分子学规范诊断与优化治疗



项目负责人:金洁,教授、主任医师、博士生导师、浙江省“151人才工程”(第一层次)入选者、享受国务院特殊津贴,现任浙江大学医学院附属第一医院血液病科主任。担任浙江大学血液病研究所所长、浙江大学医学院血液学教研室主任、浙江省血液肿瘤(诊治)重点实验室主任、浙江省医学重点支撑学科血液学带头人、国家临床重点学科建设单位学科带头人、浙江省白血病诊治重点创新团队带头人、中

国实验血液学学会常委、中国女医师协会血液学分会

会长、浙江省医师协会血液学分会前任主任委员,兼任中华医学会血液学分会常委及红细胞学组副组长。荣获浙江省有突出贡献中青年专家、全国卫生系统先进工作者。

项目简介:骨髓增生异常综合征(MDS)是一组以不同程度的外周血细胞减少伴随骨髓无效造血为特征的恶性克隆性疾病,以骨髓病态造血及高危演变为急性髓系白血病(AML)为特征,终末期有30%-50%发展成AML,是老年患者中最常见的恶性血液病。由于MDS的发病机制尚不清楚,该项目拟对MDS病人进行问卷分析,从患者的生活环境、生活习惯以及疾病等方面进行调查,为进一步的广泛流行病学调查提供资料与信息。

近三十年来,MDS的诊断经历了从

FAB五种分类诊断到WHO九种分类诊断,再到2008年WHO修订诊断,反映了该病的复杂性与未知性。现有的诊断主要是依据细胞形态学、免疫学与细胞遗传学,并以这些结果作为预后分层的依据。近年来随着分子生物学的飞速发展,分子遗传学、表观遗传学对于MDS的诊断与预后分层将起到重要的作用。该项目拟对MDS进行分子学的诊断,以获得MDS更深层、更精确的疾病特征与预后情况,从而进一步改变治疗与预后分层模式。

由于MDS患者体内正常克隆、间变克隆和恶性克隆共同存在,具有不同于AML的独特的生物学特性,治疗效果较AML差。迄今为止,MDS的治疗方法有限,亟待新的治疗方法。在前期的治疗研究基础上,该项目同时拟对中高危MDS开展多中心临床试验,冀为MDS患者提供一种安全、有效的治疗方法。

国家科技重大专项

项目名称:示范区“重大传染病规模化现场流行病学调查和干预”质量控制研究



项目负责人:任菁菁,副主任医师、浙江大学医学院附属第一医院全科医疗科副主任(主持工作)、全科健康管理研究中心副主任。担任中华医学会全科医学分会青年委员、海峡两岸医药卫生交流协会全科医学专业委员会委员、美国家庭医生学会 AAFP 国际会员、美国西弗吉尼亚大学 CIP 国际项目成员,国家卫计委医疗服务标准专业委员会、国家卫计委统计信息中心数字医疗卫生技术研究院、中国科协学科科学传播专家团队(健康物联网与个体化医疗)专家,《中国全科医学》杂志编委兼审稿专家。主要从事传染病防治领域、全科医学与健康管理领域、卫生信息化领域的研究工作,近五年主持和参与了“十一五”和“十二五”国家科技重大专项、“十一五”国家科技

支撑计划项目、中国工程院项目、国家自然科学基金项目等,发表论文50余篇,参编书籍5册,获得专利1项、软件著作权2项,起草国家和地方标准5项。作为技术骨干参与的“国家数字卫生关键技术和区域示范应用研究”获2012年浙江省医药卫生科技奖一等奖。

项目简介:该项目针对“防治艾滋病、病毒性肝炎和结核等重大传染病规模化现场流行病学和干预研究”项目的实施过程和研究结果,遵循随机化和代表性原则,采用多阶段分层抽样方法,组织全国13个省(市)的研究单位对近3000万人群的传染病防治示范区重大传染病感染现状及动态变化、干预措施和队列等进行了横向和纵向、个人与群体等多维度全面质量

核查。该项目还开展持续的质量评估与改进,确保研究结果的真实性和可靠性,以提高示范区项目实施过程的规范性,保障艾滋病、病毒性肝炎和结核病发病率、病死率(简称“三病两率”)结果的准确性,为评估示范区降低“三病两率”提供技术手段。研究组创建了基于基层传染病防治团队的质控网络,形成了“卫生行政-传染病专业技术-基层网底”三位一体现场质控体系;探索出一套适合重大传染病大规模现场筛查与队列研究的质量控制管理模式,为国家制定“十三五”规划新策略、在全国推广示范区创建的传染病防治新模式、实现降低“三病两率”的总体目标提供科技支撑。

项目名称:新发突发严重性呼吸道传染病临床救治体系研究

项目负责人:梁伟峰,教授、主任医师、博士生导师、浙江大学医学院附属第一医院感染科副主任、浙江大学医学院附属第一医院嵊州市新医院常务副院长。长期从事临床传染病的临床工作,发表论文50余篇,获浙江省医药卫生科技奖二等奖2项,国家发明专利3项。

项目简介:该项目以传染病诊治国家重点实验室为依托,联合全国3家重要的医疗机构,构建基

于网络的新发突发严重急性呼吸道传染病临床救治体系,设置入院评估、院内初筛、确诊病例分层以及重症救治四个临床救治关键节点,进行标准化信息采集。研究组根据不同研究对象(H7N9、H5N1、甲型H1N1、不明原因肺炎)和不同研究内容(新发呼吸道传染病流行病学特征和临床特征、免疫应答规律和排毒时间、病理改变、新型抗感染药物和其他治疗方案的疗效),开展临床救治的前

瞻队列研究、病原治疗的随机对照研究及危重症救治新方法和新技术的前瞻队列研究,掌握严重急性呼吸道传染病发生、发展和预后相关的因素,并建立疾病重症化预测体系及重症临床救治流程。该项目期望通过一年的试点研究,探索我国临床诊断、基础研究和临床救治相整合的新发突发严重急性呼吸道传染病临床救治新模式,为后续全国范围的推广提供实施策略与手段。

