

(上接第3版)

研究方向:

术中图像引导技术,锥束 CT 伪影修正,超低剂量 CT 重建,专用型锥束 CT 设备。

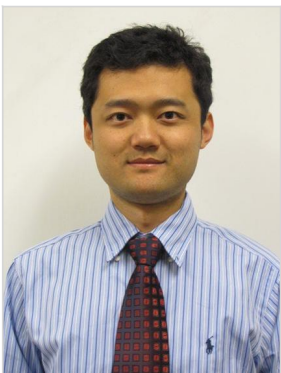
主要学习工作经历:

2008 年博士毕业于中国科技大学。2009-2012 年在美国乔治亚理工大学医学物理专业从事博士后研究,开展医学影像引导治疗系统的硬件建设与研究工作。2013 年在乔治亚理工大学晋升研究员并兼客座助理教授,构建医学物理实验教学体系。2014 年起受聘浙江大学转化医学研究院和浙江大学医学院附属邵逸夫医院特聘研究员、博士生导师。

已取得主要成果:

已发表国际一级期刊学术论文 20 余篇,国际会议报告 20 余次,拥有美国专利 2 项,研究专利受到医科达和瓦里安等国际一流医疗器械公司关注。近年来担任美国卫生研究

所(NIH)项目合作研究员,同时任医学物理领域顶级期刊 Medical Physics 和 Physics in Medicine and Biology 资深审稿人,Computational and Mathematical Methods in Medicine 期刊客座主编。获包括国际电气电子工程师协会医学影像分会新人奖和美国医学物理学学会科学论坛最佳报告等一系列研究奖项。

姓名:牛田野**研究方向:**

恶性肿瘤发生发展的分子机制及其分子标志物/抗肿瘤分子靶点的鉴定。

主要学习工作经历:

1989 年获美国爱荷华大学博士学位。先后任美国国家癌症研究所博士后和高级研究员、辉瑞癌症分子科学全球研究部门资深研究员、美国密歇根大学终身教授与放射与肿瘤生物部主任。2012 年入选美国科学促进会(AAAS)会士,2013 年入选国家“千人计划”。2014 年 1 月出任浙江大学转化医学研究院院长,获聘教授、博士生导师。

已取得主要成果:

在国际上首次克隆了凋亡敏感基因(SAG),鉴定了 SAG 在细胞凋亡、肿瘤发生、新生血管形成中起到关键的作用,在 Cell Research、Developmental Cell、ELIFE、Journal of Clinical Investigation、Molecular Cell 和 PNAS 等国际权威学术期刊发表 SCI 论文

180 篇,获得授权国际专利 5 项,相关研究获得多项科研基金资助。孙毅教授长期担任美国 NIH 项目特邀评委、多个国际科研项目特邀评审专家、中国自然科学基金委重点和面上项目二审专家和科技部“恶性肿瘤发生与发展的基础性研究”项目学术顾问;兼任 Journal of Biological Chemistry 等 5 个国际学术期刊的编委和 60 多种国际学术期刊的特邀审稿专家。

姓名:孙毅**研究方向:**

恶性肿瘤基因组不稳定性机制研究;肿瘤靶向药物耐药性的进化机制及防治策略;通过高通量筛选 DNA 损伤修复途径抑制剂以开发肿瘤靶向小分子药物。

主要学习工作经历:

2002 年博士毕业于美国 University of Missouri - Columbia。随后赴哈佛大学医学院开展博士后工作。2008 年升为哈佛大学医学院讲师,2014 年全职回国,受聘浙江大学转化医学研究院和浙江大学医学院附属邵逸夫医院特聘研究员、博士生导师。

已取得的主要成果:

DNA 损伤修复异常会导致基因组不稳定性及肿瘤。通过建立新型的 DNA 损伤修复研究技术,揭示了许多相关因子在 DNA 损伤修复中的功能及其分子机制。建立起一

个可以高通量筛选 DNA 损伤修复途径抑制剂的筛选系统,以筛选和开发肿瘤靶向小分子药物。已发表论文 23 篇,其中 20 篇发表在国际著名期刊,包括 Molecular Cell、Nature Structural & Molecular Biology、Genes & Development、Cancer Discovery、Nature Communications 等。

姓名:谢安勇**研究方向:**

以斑马鱼和小鼠为模型,研究视网膜发育和退行性病变、中脑多巴胺神经元多样性分化和退行性病变、细胞极性的建立与调控、细胞极性在神经细胞发育和稳态维持中的功能和机制。

主要学习工作经历:

2003 年博士毕业于中国科学院上海生物化学与细胞生物学研究所。2004-2007 年在美国匹兹堡大学从事博士后研究,2007-2013 年先后在美国匹兹堡大学、美国西北大学任研究助理。2014 年加入浙江大学转化医学研究院和浙江大学医学院附属第二医院,被聘为教授、博士生导师。

已取得主要成果:

揭示了视网膜色素上皮层在视网膜早期发育中的重要功能;阐明了细胞顶端极性蛋

白 Crb 的细胞黏附功能及其在维持视网膜感光细胞组织结构中的功能,在动物模型中解释了人类 Crb 突变引起的视网膜色素变性这一疾病的分子细胞机制;以及揭示了多种细胞极性分子动态协同调控神经管形成的机制。研究成果发表于 Developmental Cell、Journal of Neuroscience 等权威期刊。

姓名:邹键**研究方向:**

主要研究领域包括生物信息学和癌症基因组学,其主要研究目标是发展挖掘大生物医学数据(Biomedical Big Data)的统计和计算方法。

主要学习工作经历:

2002 年在浙江大学获博士学位,2002-2006 年先后在美国 Creighton 大学和华盛顿大学(圣路易斯)从事博士后研究。2006-2010 年担任华盛顿大学研究助理教授,2010-2014 年担任威斯康星医学院副教授。2014 年加盟浙江大学转化医学研究院和浙江大学医学院附属邵逸夫医院,被聘为教授、博士生导师。

已取得的主要成果:

近年来,利用生物信息学和基因组学针对癌症的遗传及其靶向药物治疗进行深入的研究。一方面,利用小鼠肺癌模型和人类家族性肺癌群体发现若干个肺癌易感性基因位点如 Par2 和 15q24-25.1 等。另一方面,利用基因组测序鉴定了膀胱癌和甲状腺癌

新的抗癌靶向位点,比如,首次在恶性甲状腺癌发现了 ALK 相关融合,从而为甲状腺癌个性化治疗奠定了重要基础。其成果已在 Nature Genetics、Journal of the National Cancer Institute、PloS Medicine、American Journal of Human Genetics、PNAS、Cancer Research 等国际主流期刊上发表,共引用次数 1600 余次。入选国家“青年千人计划”,获教育部高等学校科学研究优秀成果自然科学奖一等奖(第五完成人)1 项和国家自然科学基金面上项目 1 项。

姓名:刘鹏渊**研究方向:**

(1)妇科癌的发生、发展和转移的分子机制;(2)发展高通量基因组和表观基因组数据的分析平台。

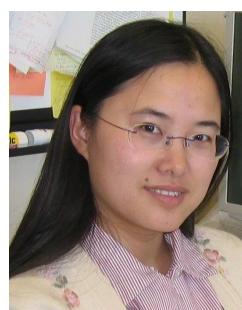
主要学习工作经历:

2003 年博士毕业于在浙江大学。2003-2007 年先后在美国 Creighton 大学、华盛顿大学圣路易斯分校从事博士后研究,担任高级研究员、研究助理教授。2010 年被威斯康星医学院聘为 Tenure-tracked 助理教授、博士生导师,并组建了独立实验室。2014 年 9 月起被聘为浙江大学转化医学研究院和浙江大学医学院附属妇产科医院教授、博士生导师。

已取得主要成果:

综合实验手段和生物信息学方法鉴定人类群体和动物模型中的疾病基因功能。近年来主要从事癌症遗传和基因组学、统计遗传学和生物信息学的研究。已发表了 50 多篇包括 PLoS Medicine、American Journal of Human Genetics、Cancer Research 等 SCI 论

文,其中第一作者论文 14 篇,单篇最高论文影响因子 14;通讯作者论文 3 篇,单篇最高论文影响因子 11。共引用 1043 次,他引 932 次,单篇最高引用为 140 次,平均引用次数 20.1 次。作为主持人承担了 4 项来自 Advancing a Healthier Wisconsin Fund、National Lung Cancer Partnership、Women's Health Research Program 和 Research Affairs Committee 的课题研究,主要利用肺癌老鼠模型研究吸烟诱导的肺癌机理,感染诱导的肺癌机理及卵巢癌发病机理和个性化治疗。2014 年获得国家基金面上和青年项目各 1 项,继续推进驱动基因和代谢途径的算法和卵巢癌临床预试验的研究。

姓名:陆燕

(上接第1版)

最新研究论文**谢幸教授研究组最新研究成果在 Journal of the National Cancer Institute 发表**

浙江大学医学院附属妇产科医院谢幸教授研究组关于宫颈脱落细胞中 miRNA 在 HPV 阳性妇女中的分流筛查价值研究在国际著名杂志 Journal of the National Cancer Institute 上发表,论文通讯作者为谢幸教授,并列第一作者为博士研究生田其芳、李阳和王芬芬。

该研究选择 6 个候选位点,在符合入组条件的 1021 例 HPV 阳性有效病例的宫颈脱落细胞中用 stem-loop RT-qPCR 方法检测这些候选 miRNA 的表达水平,并以宫颈组织学诊断作为最终诊断的金标准。结果发现 miR-218、375、424、34a 在宫颈癌及 CIN2-3 宫颈脱落细胞中的表达水平显著低于它们在正常宫颈及 CIN1 宫颈脱落细胞中的表达水平。这与它们在宫颈癌及其癌前病变组织中的表达变化趋势相一致。而 miR-92a、93 在不同宫颈

病变宫颈脱落细胞中的表达水平无显著差异。进一步通过 ROC 曲线分析评估了 miR-218、375、424、34a 在 HPV 阳性妇女中的分流筛查价值,并与 TCT 检查相比较。结果发现:在筛查 CIN2-3 及宫颈癌病变时,miR-375 和 miR-424 检测与宫颈细胞学检查(TCT)相比均具有较高的敏感性,较高的阴性预测值,而它们的特异性均与 TCT 检查相当。通过 Pearson 相关性分析、Logistic 回归分析等发现基于 miR-218、424、375 的多位点联合检测能进一步提高其筛查效能。该研究不仅证实了部分 miRNA 在不同宫颈病变的宫颈脱落细胞中的表达存在显著差异,而且初步探索并揭示了 miR-424 和 miR375 等 miRNA 作为宫颈癌筛查的新的分子标记物在 HPV 阳性妇女中的分流筛查价值,开辟了宫颈癌筛查的新思路。

吴一华助理研究员最新研究成果在 GUT 发表

近日,国际消化病学顶尖杂志 GUT 发表了公共卫生系吴一华助理研究员的研究成果“*Aspirin use after diagnosis but not pre-diagnosis improves established colorectal cancer survival: a meta analysis*”。

该研究是医学院公共卫生系与附属第二医院合作的结果,第一作者分别是医学院李培伟博士和附属第二医院吴涵博士,该研究基于当前的流行病学数据库,结合目前完整的临床试验数据,对当前学术界认为阿司匹林可以预防肿瘤事件发生和改善预后的主流观点做了一定程度的修正和挑战。研究认为:(1)阿司匹林只有在结直肠癌诊断之后使用才能改善结直肠癌患者的生存率

(提前使用没有改善效果),提示阿司匹林的抗肿瘤作用可能更多地体现在防止肿瘤转移方面,为学术界对阿司匹林抗肿瘤机制的研究提供了新的思路。(2)阿司匹林只有在两种特殊表型的大肠癌人群(PTGS2 表达阴性和 PIK3CA 基因突变型患者)中有改善预后的效果,而对这两类表型阴性的患者没有效果,提示阿司匹林抗癌的适用范围是有人群选择性的,今后在临床使用阿司匹林辅助治疗大肠癌时可能需要检测表型,为大肠癌患者的个体化治疗提供了新的依据。

该研究得到了 GUT 主编 Omar 教授的推荐和好评,主要支持基金是国家自然科学基金。